

## **Identifikacija koštanih posmrtnih ostataka iz Drugoga svjetskoga rata iz masovnih grobnica otkrivenih u Sloveniji s pomoću analize DNA**

*Damir Marjanović, Adaleta Durmić-Pašić, Narcisa Bakal, Sanin Haverić, Belma Kalamujić, Lejla Kovačević, Jasmin Ramić, Naris Pojskić, Vedrana Škaro, Petar Projić, Kasim Bajrović, Rifat Hadžiselimović, Katja Drobnič, Ed Huffine, Jon Davoren, Dragan Primorac*

CMJ 2007;48:513-19

**Cilj** Opisati zajedničke napore triju ustanova u identifikaciji ljudskih posmrtnih ostataka iz II. Svjetskoga rata nađenih u dvije masovne grobnice u području Škofje Loke u Sloveniji.

**Postupci** U dvije male masovne grobnice, smještene jedna blizu druge, nađeni su posmrtni ostaci 27 osoba. DNA je izdvojena iz uzoraka kostiju i zubi s pomoću standardnog postupka izdvajanja mješavinom fenola, kloroforma i alkohola ili prilagođenim postupkom tvrtke Qiagen. Za neke je uzorke trebalo dodatno pročišćavanje DNA, poput onoga s pomoću obradbe N-butanolom. Za kvantifikaciju DNA rabljen je sustav Quantifiler™ Human DNA Quantification Kit. Sustav PowerPlex 16 kit poslužio je za istodobnu amplifikaciju 15 lokusa s kratkim udvojenim sljedovnim (engl., short tandem repeat, STR) lokusima. Vjerojatnost podudarnosti izračunate su s pomoću računalnog programa DNA View program.

**Rezultati** Od svih obrađenih uzoraka, 15 posmrtnih ostataka potpuno je definirano na svih 15 STR lokusa, a 12 drugih određeno je samo djelimice. Najmanje uspješno određivanje odredilo je 13 lokusa. Osim toga, od živih potencijalnih srodnika uzeto je i određeno 69 uzoraka DNA, i to iz sluznice obraza. Usporedba profila biljega žrtava s podacima pismohrane s rodbinom dala je 4 jake podudarnosti. Osim toga, 5 dodatnih uzoraka nađeno je podudarnima s uzorcima rodbine, ali na razini manje vjerojatnosti.

**Zaključak** Naši rezultati pokazuju da više od šest desetljeća nakon završetka II. Svjetskoga rata analiza DNA može jako pridonijeti identifikaciji žrtava iz toga vremena. U drugoj fazi projekta identifikacije primijenit će se i dodatna analiza lokusa STR na kromosomu Y i analiza biljega mitohondrijske DNA.