

## **Populacijski podatci za 15 kratkih udvojenih lokusa u regiji Vlaška u južnoj Rumunjskoj**

*Florin Stanciu, Ionel Marius Stoian, Oana Raluca Popescu*

**Cilj** Odrediti distribuciju učestalosti alela za 15 kratkih udvojenih lokusa na uzorku 1910 ispitanika iz regije Vlaška u južnoj Rumunjskoj, koji nisu u srodstvu.

**Postupci** DNA je izolirana s pomoću postupka Chelex 100 i prilagođene inačice AGOWA mag DNA Isolation Kit Sputum. Amplifikacija polimeraznom lančanom reakcijom provedena je s pomoću kita AmpF/STR Identifiler (D8S1179, D21S11, D7S820, CSF1PO, D3S1358, TH01, D13S317, D16S539, D2S1338, D19S433, vWA, TPOX, D18S51, D5S818, i FGA). Za tipiziranje DNA rabljen je ABI PRISM 3100 Genetic Analyzer. Izračunati su genetički parametri od sudskomedicinskog interesa i napravljene su usporedbe sa zemljopisno bliskim populacijama.

**Rezultati** Osim na lokusu vWA ( $P=0,001$ ), nigdje drugdje nisu primijećena značajna odstupanja od Hardy-Weinbergovih očekivanja. Usporedbe pojedinih lokusa između zemljopisno bliskih populacija pokazale su značajne razlike između populacija Vlaške i područja Bukurešta, Grčke, Turske, Italije, Mađarske, Bjelorusije, i Poljske, ali nisu pokazale razlike između Vlaške i Hrvatske i Srbije.

**Zaključak** Prema 15 kratkih udvojenih sljedova, populacija područja Vlaške genetski je sličnija Slavenskom stanovništvu Hrvatske i Srbije negoli ostalim obližnjim narodima.