

Genetska analiza 7 srednjovjekovnih kostura iz Aragonskih Pirineja

Carolina Núñez, Cecilia Sosa, Miriam Baeta, Maria Geppert, Meredith Turnbough, Nicole Phillips, Yolanda Casalo, Miguel Bolea, Rhonda Roby, Bruce Budowle, Begoña Martínez-Jarreta

Cilj Genetski karakterizirati 7 srednjovjekovnih kostura nađenih na grobnom mjestu u Aragonskim Pirinejima.

Postupci Odredili smo alelnu učestalost autosomalnih kratkih udvojenih sljedovnih lokusa (engl., STR loci) uz pomoć 3 različita sustava STR. Mitohondrijska DNA (mtDNA) i Y-kromosomske haplostrukupine utvrđene su određivanjem nizova hipervarijabilnog segmenta 1 mtDNA, odnosno tipiziranjem filogenetskih pojedinačnih nukleotidnih polimorfizama na kromosomu Y (engl., Y-SNP). Istraženi su i mogući porodični odnosi među pojedincima.

Rezultati Potpuni ili djelomični profili STR dobiveni su za 3 od 7 uzoraka. mtDNA haplostrukupina određena je za 6 uzoraka, od čega je 5 pripadalo skupini H i 1 haplostrukupini U5a. Y-kromosomska haplostrukupina određena je za 2 uzorka, koji su pripadali skupini R. U jednomu od njih utvrđena je pod-grana R1b1b2. Sljedovi mtDNA upućuju da bi neki od pojedinaca mogli biti rodbinski povezani po majčinoj strani, dok profili STR nisu upućivali na izravne obiteljske veze.

Zaključak Usprkos starosti uzoraka i zahtjevnosti genetske analize, kombinirana uporaba autosomalnih i Y-kromosomskih informativnih pojedinačnih nukleotidnih polimorfizama i mtDNA sljedova omogućila nam je da genotipiziramo skupinu srednjovjekovnih kostura.